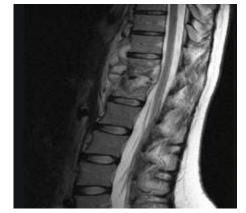
Infections ostéo-articulaires à microorganismes atypiques :
Que chercher quand les cultures standards sont négatives?









Réunion bibliographique du CRIOGO

Lundi 21 Octobre 2019







Emilie Prat

Leslie Bouard

Anne Gougeon

Laboratoire de Bactériologie

Plan

I. Rappel sur le diagnostic des IOA au laboratoire

II. Que faire des prélèvements a priori stériles ?

Apport de la biologie moléculaire Autres techniques disponibles au laboratoire

III. Quelles « bactéries atypiques » peut-on suspecter ?

Différentes hypothèses diagnostiques En pratique au laboratoire

IV. Conclusion/Perspectives

Diagnostic bactériologique des IOA

• **INDISPENSABLE** pour

- Affirmer l'infection
- Traiter correctement les infections : adaptation de l'antibiothérapie
- Prélèvements profonds multiples (4-5), avant antibiothérapie
- Souvent difficile
 - Isolement parfois laborieux des bactéries
 - Infections aigues versus infections chroniques
 - Interprétation parfois délicate : contamination potentielle
- Résultats dépendant de :
 - La qualité des prélèvements
 - La rapidité du transport
 - Des techniques utilisées au laboratoire

Les étapes du diagnostic au laboratoire



Prélèvement

Site prélevé/nombre/nature/qualité

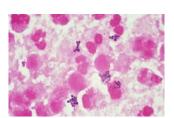
Pré-traitement des échantillons

Prélèvement liquide : Homogénéisation Prélèvement solide : Broyage





Biofilm sur le matériel Bactéries quiescentes



Examen direct

Gram + Cytologie

Peu sensible





Flacons d'hémoculture Aérobie/Anaérobie Enrichissement +++ 10J

Milieux solides Gélose au sang, gélose chocolat Aérobiose / Anaérobiose



Milieux liquides Enrichissement 14J



Les étapes du diagnostic au laboratoire

• Interprétation des cultures :

- Lecture attentive des différents milieux
- Identification et antibiogramme des différentes colonies
 - Fonction de la nature et nombre de prélèvements +





- Infections aigues à germes classiques : Bactéries « normales »
 - Culture précoce : *Staphylococcus aureus*, Entérobactéries
- Infections chroniques : Bactéries « stressées »
 - Culture > 48h : *S. aureus* et colonies naines, *Propionibacterium acnes*



12

- Parfois difficile:
 - Bactéries IOA = +/- bactéries de la flore cutanée
 - Eviter au maximum les risques de contamination à toutes les étapes
 - Infections plurimicrobiennes



J10

• 10 à 25% des IOA négatives suivant les études et contextes épidémio-cliniques



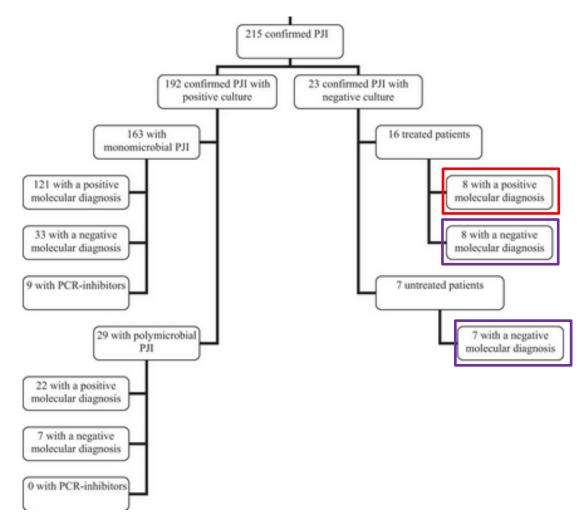
Evaluation of 16S rRNA Gene PCR Sensitivity and Specificity for Diagnosis of Prosthetic Joint Infection: a Prospective Multicenter Cross-Sectional Study

Pascale Bémer,^a Chloé Plouzeau,^b Didier Tande,^c Julie Léger,^d Bruno Giraudeau,^d Anne Sophie Valentin,^e Anne Jolivet-Gougeon,^f Pascal Vincent,^f Stéphane Corvec,^a Sophie Gibaud,^a Marie Emmanuelle Juvin,^a Genevieve Héry-Arnaud,^c Carole Lemarié,^g Marie Kempf,^g Laurent Bret,^h Roland Quentin,^e Carine Coffre,^d Gonzague de Pinieux,ⁱ Louis Bernard,^j Christophe Burucoa,^b the Centre de Référence des Infections Ostéo-articulaires du Grand Ouest (CRIOGO) Study Team

CHU Nantes, Laboratoire de Bactériologie, Nantes, France^a; CHU Poitiers, Laboratoire de Bactériologie, Poitiers, France^b; CHU Brest, Laboratoire de Bactériologie, Brest, France^c; INSERM, CIC 1415, Tours, France^c; CHU Tours, Laboratoire de Bactériologie, Tours, France^c; CHU Rennes, Laboratoire de Bactériologie, Rennes, France^c; CHU Tours, Laboratoire de Bactériologie, Orléans, France^c; CHU Tours, Laboratoire de Bactériologie, Orléans, France^c; CHU Tours, Laboratoire d'Anatomo-Pathologie, Tours, France^c; CHU Tours, Service des Maladies Infectieuses, Tours, France^c;

23 infections non documentées (10%) sur 215 infections sur prothèse suspectées.

- 16 patients sous ATB 2 semaines avant la chirurgie
- Les germes retrouvés :
 - Staphylococcus aureus
 - Listeria monocytogenes
 - Acinetobacter johnsonii
 - Corynebacterium lipophiloflavum
 - Cutibacterium acnes



Raisons?

- Patient sous antibiotique
- Prélèvement non optimal ou en trop faible quantité
- Transport trop long
- Bactérie trop fragile

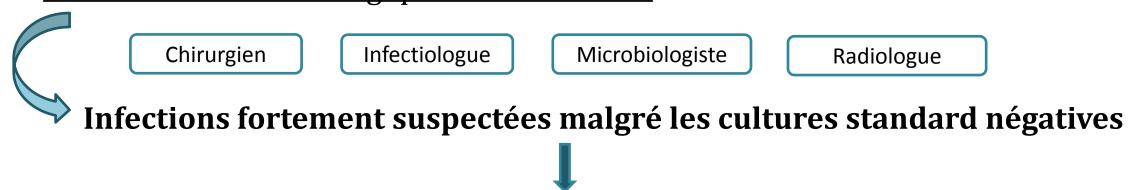
Gestion préanalytique des prélèvements +++

- Bactéries « cachées » (intracellulaire ou en biofilm)
- Bactéries physiologiquement peu actives
- Bactéries à croissance lente
- Bactéries normales (IOA aigüe) vs Bactéries stressées (IOA chronique)

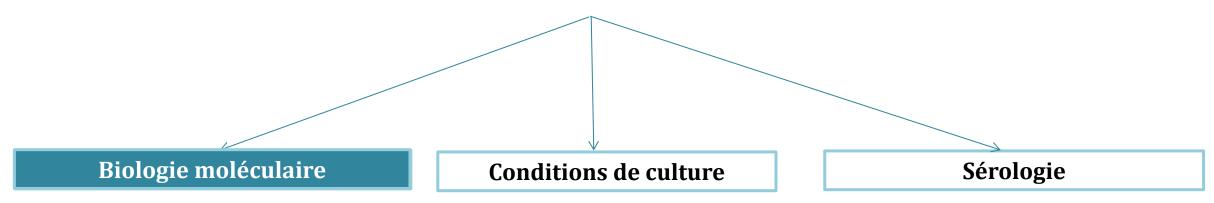
Cultures longues
Milieux riches
Multiplicité des milieux

Traitement adéquat des prélèvements

• <u>Discussion clinico-biologique fondamentale</u>:



Quels sont les outils disponibles au laboratoire?



Culture lente Faible inoculum Pas d'antibiogramme

Biologie moléculaire et IOA

Pré-traitement des échantillons Extraction de l'ADN



PCR universelle

Amplification d'un gène universel bactérien (ARN16S)



Séquençage



Quantité > 200 μ L

PCR spécifiques

Amplification par PCR d'un gène cible



Xpert®



PCR ciblée

BK et résistance à la rifampicine

S. aureus et résistance à la méticilline

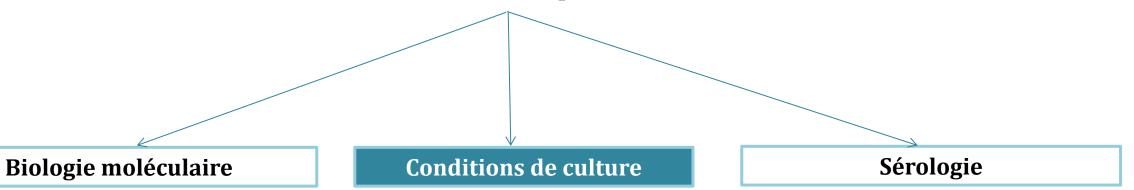
Kits commerciaux® PCR « maison »

<u>Discussion clinico-biologique fondamentale :</u>



Infections fortement suspectées malgré les cultures standard négatives

Quels sont les outils disponibles au laboratoire?



Bactéries à croissance lente Bactéries particulières

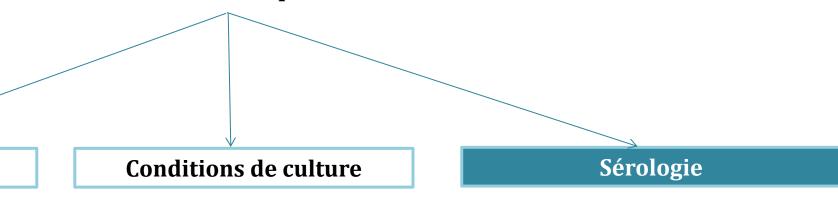
<u>Discussion clinico-biologique fondamentale :</u>



Biologie moléculaire

Infections fortement suspectées malgré les cultures standard négatives

Quels sont les outils disponibles au laboratoire?



Facile / Rapide
Bactéries non cultivables
Bactéries intracellulaires
Rétrospectif

Quelles bactéries atypiques peut-on suspecter?

- Bactéries difficilement cultivables au laboratoire
 - Croissance lente
 - Croissance sur milieux spécifiques
- Bactéries non cultivables

Mycobacterium tuberculosis
Mycobactéries atypiques
Brucella spp
Mycoplasma spp
Kingella kingae
Bartonella henselae
Tropheryma whipplei

Quand les suspecter et comment les identifier au laboratoire



Mycobacterium tuberculosis ou BK

- 2 à 5% de l'ensemble des tuberculoses
 - Tuberculose vertébrale dans 50% des cas (Mal de Pott)
 - Arthrite, ostéomyélite, ténosynovite, bursite
- Porte d'entrée pulmonaire
 - Réactivation de BK dormants
- Terrains à risque :
 - Pays forte endémie (sujets jeunes)
 - Contage
 - Immunodépression
- Clinique peu spécifique
 - AEG, fièvre (<50% des cas)
 - Impotence fonctionnelle
- Imagerie :
 - Géodes avec séquestre
 - Foyer de calcification
- Histologie : Granulomes caséeux



- Secteur protégé : Laboratoire L3
- Culture sur milieux spécifiques :
 - Milieu solide (Lowenstein Jensen)
 - Milieu liquide (MGIT)



- Incubation prolongée : 42 jours
- Biologie moléculaire :
 - PCR **GeneXpert** directement sur le prélèvement
 - Détection BK et résistance à la rifampicine

Mycobactéries atypiques

- Mycobactéries non tuberculeuses (> 150 espèces) :
 - Bactéries ubiquitaires : eaux, sols, végétations
 - M. marinum, M kansasii, M. xenopi, M. avium-intracellulare, M. fortuitum, M. chelonae...
- Pathogènes opportunistes /IOA rares
- Terrain:
 - Facteurs favorisant :
 - Traumatisme local: contact eau (baignade, aquarium), terre
 - Dermatoses cutanées pré-existantes
 - Nosocomial: infiltrations, prothèses
 - Chez ID (formes généralisées)
- Tableau : Arthrite (genou), ténosynovite (main), ostéite/spondylodiscite
- Retard diagnostique et thérapeutique
 - Mime pathologie inflammatoire rhumatismale (anti-TNF)

- Secteur protégé : Laboratoire L3
- Croissance +/- lente
- Culture sur milieux spécifiques :
 - Milieu solide (LJ)
 - Milieu liquide (MGIT)
 - Mais croissance sur milieu standard possible
- Incubation prolongée : 42 jours
- Deux T° d'incubation : 30 et 37°C
- Culture = Référence
- Biologie moléculaire :
 - PCR *hsp*65 + séquençage



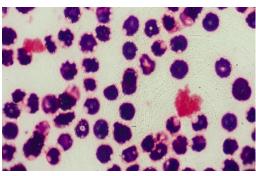


Nguyen, C. (2004). Mycobacterium marinum. N Engl J Med

Brucella spp

- Brucellose ou Fièvre de Malte/Fièvre ondulante
- Anthropozoonose à déclaration obligatoire
- Coccobacilles à Gram (-), intracellulaires
 - Brucella melitensis (moutons et chèvres), B. suis (porcs), B. abortus (bovins), B. canis (chien)
- Transmission par contact avec les animaux ou ingestions produits laitiers crus
 - En zone rurale
 - Maladie professionnelle
 - Cas d'importation +++
- Période d'incubation : $\simeq 2$ semaines
- Atteintes osseuses : 30 à 50%
 - localisation secondaire
 - Spondylodiscite

- Secteur protégé : Laboratoire L3
 - Agent classe 3
- Hémoculture prolongée > 10J
- ARN 16S
- Sérologie
 - Simple parfois plus rapide
 - Dépistage au laboratoire (Rose Bengale)
 - Confirmation par laboratoire de référence







Bartonella henselae

- Bactérie intracellulaire responsable de la « maladie des griffes du chat »
 - Adénopathie inflammatoire provoqué par griffure/morsure
- Localisation osseuse très rare, surtout chez l'enfant
 - Dissémination hématogène
- Tableau d'ostéomyélite
 - Atteinte surtout vertébrale (thoracique +++)
 - Atteinte articulaire rare
- Savoir l'évoquer devant une fièvre inexpliquée/. atteinte osseuse uni ou multifocale et contact avec chat
 - Interrogatoire +++

- Culture très peu sensible
- Sérologie
- Biologie moléculaire
 - PCR ciblée
 - Sur biopsie vertébrale
 - Sur ganglion +++
 - PCR ARNr16S



Dusser, P. et al (2013). Ostéomyélite dans la maladie des griffes du chat : à propos d'un cas et revue de la littérature. Archives de Pédiatrie

Kingella kingae

- Infections ostéo-articulaires de l'enfant
- 1ère cause d'arthrite septique chez l'enfant de 6 mois à 4ans
 - Cas également décrit chez l'adulte

Ricketts et al. (2015). Case Reports in Orthopedics, 2015,

- Physiopathologie peu expliquée
 - Lien avec infections virales ORL
 - Dissémination hématogène
 - Virulence: Production d'une toxine rtxA
- Infection paucisymptomatique, révélée par une boiterie







Kingella kingae

Etude française, 2013

Prospective survey of acute osteoarticular infections in a French paediatric orthopedic surgery unit

A. Ferroni¹, H. Al Khoury², C. Dana², G. Quesne¹, P. Berche¹, C. Glorion² and Z. Péjin²

1) Hôpital Necker Enfants-Malades, Laboratoire de Bactériologie and 2) Hôpital Necker-Enfants Malades, Unité de Chirurgie Orthopédique Pédiatrique, Paris, France

TABLE 3. Respective contributions of standard cultures in solid media, enrichment in blood culture bottles, PCR and blood culture to the bacteriological diagnosis

Species	Standard culture	Enrichment	Only PCR	Only blood culture	Total
K. kingae	0	4	39	1	44
S. aureus	13	2	3	6	24
S. pyogenes	3	0	1	2	6
S. pneumoniae	2	0	1	0	3
S. agalactiae	0	2	0	0	2
Others	0	2	2	0	4

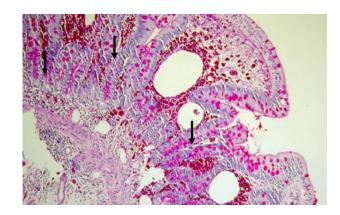
- Retrouvé dans 53% des IOA documentés chez l'enfant < 4 ans
- 88% uniquement détectées par PCR

- Bactérie très fragile
 - Faible sensibilité de la culture (faible inoculum)
 - Ensemencement des flacons d'hémoculture directement au lit du malade
- PCR spécifique +++
 - En systématique chez l'enfant < 4 ans
 - Directement sur prélèvement
 - Multiplier les prélèvements

Tropheryma whipplei

- Bacille à Gram négatif, intracellulaire, ubiquitaire
 - Affection bactérienne rare, potentiellement mortelle
- Diagnostic difficile et souvent tardif
- Surtout chez l'homme caucasien de plus de 50 ans
 - Exposition terres agricoles/stations d'épuration
 - Prédisposition génétique
- Contamination probablement digestive
- Tableau clinique :
 - Atteinte polyviscérale : Maladie de Whipple
 - **Polyarthrite** chronique intermittente non destructrice
 - Fièvre, **Amaigrissement**, Sd inflammatoire
 - **Diarrhées** chroniques
 - Infections localisées : Arthrites, spondylodiscites
- Diagnostic différentiel : Rhumatisme inflammatoire chronique
 - Découverte par ttt immunosupresseur et amélioration sous ATB

- Non cultivable sur milieux standards
- PCR ciblée
 - Sites non spécifiques :
 - Sang, selle, salive, urine
 - Dépistage
 - Synovite
 - Biopsies duodénales
- PCR ARNr16S
- PAS ou Immunohistochimie
 - Biopsie duodénale



Mycoplasma spp

- Bactéries ubiquitaires
 - Absence de paroi : fragilité dans le milieu extérieur
- Plusieurs espèces pathogènes pour l'Homme :
 - M. pneumoniae, M. hominis, Ureaplasma sp, M. arthritidis, M. fermentans, M. genitalium,, ...
- Pouvoir arthritogène des mycoplasmes
 - Arthrite septique
 - Arthrite réactionnelle
- Surtout genoux et hanches (Myanet al., American journal of transplantation, 2005)

nflammatoires

- Terrain : Immunodépression
- Discussion pluri-disciplinaire

Tableau clinique	Espèce	Degré de certitude	Commentaire	
Arthrites septiques chez immunodéprimés	U. urealyticum M. hominis, M. pneumoniae	+++	40 % des arthrites chez hypogammaglobulinémiques	
Arthrites réactionnelles	U. urealyticum	++	arguments directs et indirects fréquence : inconnue	
PR, rhumatismes	M. fermentans	?	mycoplasmes présents	

Au laboratoire:

- Culture fastidieuse
- Préférable sur milieux spécifiques
 - Non réalisés en systématique au laboratoire
- Sérologie
 - M. pneumoniae
- PCR ciblée
 - Liquide articulaire
 - Autres sites (gorge, voie urogénitale)
- PCR ARN 16S

à l'état viable dans certains cas

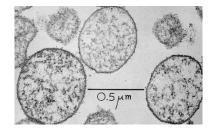


Tableau I. Implication des mycoplasmes dans les arthrites humaines.

U. urealyticum

En résumé

- Importance du dialogue clinico-biologique
 - Avertir le laboratoire pour mettre en œuvre les techniques adaptées



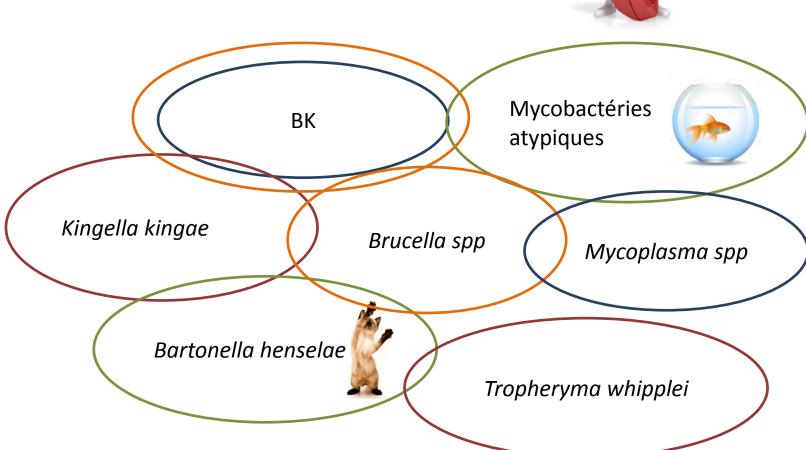
Interrogatoire +++

Contact avec les animaux

Age

Immunodépression

Voyage



Conclusion

- Bonne sensibilité des techniques standard
 - Culture tardive, jusqu'à 14J
 - Multiplicité des milieux
 - Enrichissement grâce aux flacons d'hémoculture
- Intérêt de la biologie moléculaire +++
 - Faible inoculum de départ
 - Germes à croissance difficile
 - Antibiothérapie
 - Détection de très nombreuses espèces bactériennes
- Ne pas oublier les germes atypiques!
 - Contexte clinique Interrogatoire
- Rôle du laboratoire d'anathomopathologie
 - Dénombrement des leucocytes
 - Aide au diagnostic BK

Le futur : séquençage haut débit, métagénomique ?

Concept : Séquençage de tout l'ADN présent dans un échantillon clinique dans le but d'identifier les germes en présence et leur susceptibilité aux antibiotiques



OPEN Clinical metagenomics of bone and joint infections: a proof of concept study

Received: 21 February 2017 'ublished online: 10 August 2017

Etienne Ruppé 61, Vladimir Lazarevic1, Myriam Girard1, William Mouton2,3, Tristan Ferry2,4, Frédéric Laurent^{2,3} & Jacques Schrenzel^{1,5}

<u>But</u>: Evaluer les performances de la métagénomique clinique dans les IOA comparativement à la microbiologie conventionnelle

- 24/179 prélèvements (47 patients) :
 - 8 prélèvements : infection mono-microbienne retrouvée également par culture
 - Prédiction génétique de l'antibiogramme dans 94% des cas
 - 273 bactéries identifiées par séquençage et non retrouvées en culture
 - 1/3 contaminants
 - 2/3 possibles pathogènes

Conclusion : La méthode est prometteuse mais

- Quantité d'ADN bactérien
- Interprétation des échantillons polymicrobiens : contaminant ou pathogène
- Temps nécessaire aux résultats (bio-informatique)
- rapport coût/bénéfice encore défavorable



Merci de votre attention



